

## Mikrobiologische Untersuchung von Labortieren



Probe

Screening



Identifikation



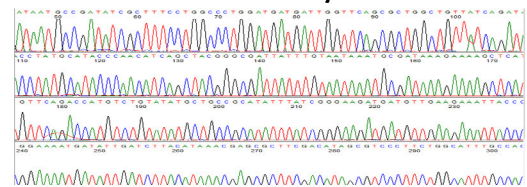
### Identifikation von

- FELASA-Keimen
- obligat-pathogenen nicht-FELASA Keimen
- fakultativ-pathogenen nicht-FELASA Keimen

PCR Analyse



Optionale Sequenzierung und  
Blast-Analyse



Accession	Query	Score	E	Ident	Accession
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096
U00096	Escherichia coli O157:H7	100	0.0	100%	U00096

Ausschließlich Informationen  
über untersuchte Keime

### Fazit

Die klassische mikrobiologische Untersuchung zeigt ein komplettes Erregerspektrum, während die PCR nur die ausgewählten Pathogene anzeigen kann. Damit wird die Vorgabe der FELASA-Empfehlungen zwar eingehalten, jedoch sind die Informationen zum gesamten Erregerspektrum aus unserer Sicht genauso wichtig.